

**dr Marcin Jąkałski**

**adiunkt**

**C413**

**marcin.jakalski@biol.ug.edu.pl**

**+48 58 523 61 75**

### **DZIAŁALNOŚĆ NAUKOWO-BADAWCZA**

Projekty badawcze, granty:

1. „ORCHIDOMICS - Zrozumienie metabolizmu storczyków w ich naturalnym środowisku - metody omiczne w badaniach adaptacji i symbiozy u storczyków”. Uniwersytet Gdański, NCN MAESTRO 2016-2019. WYKONAWCA
2. “EVOLGEN (Genome Sciences – Evolutionary and Functional Perspective)”. Westfalski Uniwersytet Wilhelma w Münster. FP7-PEOPLE-2009-IRSES - Marie Curie Action “International Research Staff Exchange Scheme” 2011-2015. WYKONAWCA

Odbyte staże:

1. Uniwersytet Hokkaido, Sapporo, Japonia, 16 kwietnia – 14 lipca 2012. Staż w Laboratory of Genome Sciences, Graduate School of Information Science and Technology (wyjazd w ramach projektu EVOLGEN)
2. Uniwersytet Tokijski, Kashiwa, Japonia, 30 września – 22 grudnia 2013. Staż w Department of Computational Biology and Medical Sciences (wyjazd w ramach projektu EVOLGEN)
3. Uniwersytet Hokkaido, Sapporo, Japonia, 15 września – 16 listopada 2014. Staż w Research Center for Zoonosis Control (wyjazd w ramach projektu EVOLGEN)

Udział w ważniejszych konferencjach naukowych:

1. „Zjazd Polskiego Towarzystwa Bioinformatycznego i VII Warsztaty z Bioinformatyki”, Będlewo, 2009
2. Międzynarodowa Konferencja Naukowa „6th Annual European Meeting of PhD Students in Evolutionary Biology”, Wierzba, 2010
3. Międzynarodowa Konferencja Naukowa „14th Evolutionary Biology Meeting” Marsylia, Francja, 2010
4. Sympozjum “Interdisciplinary Graduate Students' Symposium”, Münster, Niemcy, 2011
5. Sympozjum “3rd annual Muenster Graduate School of Evolution Symposium”, Münster, Niemcy, 2013
6. Międzynarodowa Konferencja Naukowa “The Biology of Genomes”, Cold Spring Harbor, USA, 2013
7. Międzynarodowa Konferencja Naukowa “25th International Conference of the World Association for the Advancement of Veterinary Parasitology”, Liverpool, Wielka Brytania, 2015

### **DZIAŁALNOŚĆ DYDAKTYCZNA I POPULARYZACJA NAUKI :**

Prowadzenie zajęć podczas warsztatów z bioinformatyki w ramach Poznańskiej Letniej Szkoły Bioinformatyki (2010, 2011, 2013)

### **DOROBEK NAUKOWY/ WYKAZ PUBLIKACJI**

1. Majorek K, Kozłowski L, **Jąkałski M**, Bujnicki JM, rozdział “First steps of protein structure prediction” w książce “Prediction of Protein Structures, Functions and Interactions”. Pod redakcją: Bujnicki JM. Wiley & Sons 2008
2. Wojtkowska M, **Jąkałski M**, Pienkowska JR, Stobienia O, Karachitos A, Przytycka TM, Weiner J 3rd, Kmita H, Makalowski W. Phylogenetic Analysis of Mitochondrial Outer Membrane  $\beta$ -barrel Channels. Genome Biol. and Evolution 2011
3. Janice J, **Jąkałski M**, Makalowski W. Surprisingly high number of Twintrons in vertebrates. Biology Direct 2013
4. **Jąkałski M**, Wakaguri H, Kischka TG, Nishikawa Y, Kawazu S, Matsubayashi M, Kawahara F, Tsuji N, Cao S, Sunaga F, Xuan X, Okubo K, Igarashi I, Tuda J, Mongan AE, Eshita Y, Maeda R, Makalowski W, Suzuki Y, Yamagishi J. DB-AT: a 2015 update to the Full-parasites database brings a multitude of new transcriptomic data for apicomplexan parasites. Nucleic Acids Research 2014
5. Makalowski W, **Jąkałski M**, Makałowska I. Bioinformatics (version 2.0). eLS (Encyclopedia of Life Sciences). John Wiley & Sons Ltd, Chichester. 2014

6. Suganuma K, Sarwono AE, Mitsunashi S, **Jakalski M**, Okada T, Nthatisi M, Yamagishi J, Ubukata M, Inoue N. Mycophenolic Acid and Its Derivatives as Potential Chemotherapeutic Agents Targeting Inosine Monophosphate Dehydrogenase in *Trypanosoma congolense*. *Antimicrob Agents and Chemotherapy* 2016

7. **Jakalski M**, Takeshita K, Deblieck M, Koyanagi KO, Makalowska I, Watanabe H, Makalowski W. Comparative genomic analysis of retrogene repertoire in two green algae *Volvox carteri* and *Chlamydomonas reinhardtii*. *Biology Direct* 2016

**Inne**

[https://www.researchgate.net/profile/Marcin\\_Jkalski](https://www.researchgate.net/profile/Marcin_Jkalski)

[https://scholar.google.de/citations?user=jA2\\_nQ8AAAAJ&hl=en](https://scholar.google.de/citations?user=jA2_nQ8AAAAJ&hl=en)